

**Título:** Alteraciones genético-moleculares implicadas en el inicio y progresión de los tumores de cabeza y cuello y sus implicaciones clínicas.

**Expediente:** CT201402

**Precio máximo de licitación:** 41.500 € (IVA no incluido)

**Procedimiento:** Negociado sin publicidad

**Fecha apertura:** 13 de marzo de 2014

**Fecha cierre:** 31 de marzo de 2014

**Órgano de contratación:** FICYT

**Observaciones:**

Compra realizada en el marco del proyecto de investigación cofinanciado por FEDER y el Instituto de Salud Carlos III con referencia PI11/00929

DATOS DE LA LICITACIÓN			
1	Objeto:	Suministro de material para microarrays necesarios para la ejecución del proyecto PI11/00929	
2	Precio máximo de Licitación	41.500 € (no incluido IVA)	
3	Plazo de ejecución	30 de abril de 2014	
4	Servicios concretos a desarrollar	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Microarrays genómicos y reactivos OncoScan 3.0 (ver Pliego Técnico)</li> <li>• Microarrays de expresión</li> </ul>	
5	Plazo presentación de ofertas	La fecha y hora límite para presentar ofertas será el 30 de marzo de 2014 a las 14:00 horas	
6	Contacto para ampliar información	Nombre: Mario Hermsen Email: mariohermsen@gmail.com Tfno: 985108000 Ext: 37956	
7	Presentación de ofertas	IUOPA-Hospital Covadonga (1ª planta) Hospital Universitario Central de Asturias C/ Julián Clavería s/n 33006 Oviedo	
8	Procedimiento de contratación	Negociado sin publicidad	
9	Documentación a presentar por los candidatos	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Características técnicas del análisis</li> <li>• Precio</li> </ul>	
10	Criterios de evaluación	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Prescripciones Técnicas</li> <li>• Precio</li> </ul>	20 % 80%
11	Normativa aplicable	Real Decreto Legislativo 3/2011. Texto refundido de Ley de contratos del sector público	

## PLIEGO DE PRESCRIPCIONES TÉCNICAS

### DESCRIPCIÓN Y ESPECIFICACIONES TÉCNICAS DEL SUMINISTRO QUE SE SOLICITA:

Se requieren dos tipos de análisis de microarrays:

Material	Nº muestras	Precio total
Microarrays genómicos	74	31.500 (sin IVA)
Microarrays de expresión	20	10.000 (sin IVA)

#### Características técnicas:

Los microarrays genómicos: para poder aprovechar nuestras muestras retrospectivas guardadas en bloques de parafina, deben utilizar tecnología Molecular Inversion Probe (MIP), ya que requiere muy poca cantidad de material y es menos sensible a la degradación parcial que sufren las muestras. Además deben analizar el número de copias y pérdida de heterogenidad en un mínimo de 300.000 oligonucleótidos y mutaciones en un mínimo de 300 genes asociados con el cáncer.

Los microarrays de expresión: tienen que ser compatible con resultados previamente obtenidos con el Human Genome U133 Set de Affymetrix, tienen que incluir el análisis de al menos 47.000 transcritos y ser aplicable a material procedente de bloques de parafina.

Para los dos tipos, la oferta tiene que incluir los microarrays (portas con las series de oligonucleótidos) y los reactivos específicos necesarios para llevar a cabo los experimentos.

#### Valoración técnica:

\*15% se valora la posibilidad de analizar con los microarrays genómicos el número de copias, la pérdida de heterogenidad y mutaciones de genes simultaneamente.

\*5% se valora el número de oligonucleótidos representados en los microarrays genómicos y los microarrays de expresión